Dossier suivi par Sandrine QUENTIN



E N S C B P
E N S E G I D
E N S E I R B
M A T M E C A
E N S P I M A
E N S T B B
E N S G T I*
ENSI Poitiers*
I S A B T P*
LA PREPA DES INP

Campagne d'emplois 2020

Enseignants chercheurs BIATSS



Direction des ressources humaines



^{*} écoles partenaires



Enseignants-chercheurs

Campagne d'emplois - 2020

Postes vacants						Poste demandé				
Corps	CNU	Composante	Labo	Date de la vacance	Motif de la vacance	Corps	CNU	Composante	Labo	Profil de poste
MCF	64	ENSTBB	CBMN	01/09/2019	Concours	MCF	64/27	ENSTBB	ICBMN	Biochimie et biologie moléculaire Informatique

Poste concerné							
Corps:	PR □	MCF ⊠	PRAG □				
N° emploi :	MCF 0075						
Motif vacance :	Concours						
Nom ancien occupant :	Sébastien Vilain						
Composante / Laboratoire :	ENSTBB/CBMN						
Demande formulée							
Nature demande :	Maintien ⊠	Transf	ormation \square	Création □			
Corps:	PR □	MCF ⊠	PRAG □				
Section CNU / Discipline :	Biochimie et biologie moléculaire - Informatique						
N° Section / Discipline :	64 - 27						
Composante/Laboratoire :	ENSTBB/CBMN						
Enseignement : filière de formation, objectifs pédagogiques, besoin d'encadrement							
Composante d'accueil :	ENSTBB						

Contact : Norbert BAKALARA, directeur de l'ENSTBB (<u>norbert.bakalara@bordeaux-inp.fr</u>)

L'ENSTBB propose une formation d'ingénieurs en biotechnologie en formation initiale sous statut étudiant et/ou en contrat de professionnalisation ainsi qu'un ensemble de formations continues spécifiques du secteur des biotechnologies en santé.

Contexte d'un enseignement de statistiques dans la formation des ingénieurs de l'ENSTBB :

La connectivité et la data constituent les bases de l'usine 4.0 dans laquelle évolueront les ingénieurs de l'ENSTBB.

Dans les étapes de développement d'un bio-médicament, l'analyse des données « omics » de grand volume est devenu un enjeu stratégique dans un environnement hautement concurrentiel.

Dans les étapes de production industrielle d'un bio-médicament, l'enjeu est devenu la gestion de « data stream » en temps réel avec l'intégration de données historiques pour appuyer des décisions intelligentes automatisées.

Objectifs pédagogiques et objectifs d'encadrement :

Dans le cadre de ses activités d'enseignement, le(a) candidat(e) devra mettre en place de nouvelles approches pédagogiques basées sur la pratique en s'appuyant sur des projets portant sur des problématiques concrètes afin de former les étudiants aux outils et méthodes des technologies intelligentes. Quel outil utiliser, quand, comment ?

Cet enseignement s'articulera autour de trois outils et méthodes : l'analyse de données classiques (biostatistiques – plan d'expérience), l'analyse et la prise de décision à partir de larges bases de données « big data and data mining » ainsi que l'apprentissage automatique (machine learning).

En collaboration avec les enseignants de l'ENSTBB, la personne recrutée participera par ses activités d'enseignement à la formation des élèves-ingénieurs de l'école et aux activités de tutorat.

Profil candidat

Le ou la candidat(e) aura une formation initiale en biologie (niveau L3 minimum) et une expérience (doctorat – post-doctorat) sur des sujets alliant problématiques médicales ou de bio-production et des connaissances solides en bio-informatique.

Alternativement le ou la candidate aura une formation initiale en informatique/bio-informatique (niveau M2) avec une expérience (doctorat – post-doctorat) sur des sujets alliant problématiques médicales ou de bio-production et l'informatique.

Une pratique d'un enseignement en bio-informatique sera un plus.

Formation concernée:

La personne recrutée participera aux enseignements en 1^{ère}, 2^{ème} et 3^{ème} année du cursus « ingénieur » de l'ENSTBB.

Mots clés:

Big data, Data Stream, Analyse de données, Apprentissage automatique, Plans d'expériences, (Bio)-médical ou Bio-Production

Recherche

Laboratoire d'accueil: CBMN

Contact : Sophie LECOMTE, directrice du CBMN (sophie.lecomte@u-bordeaux.fr)

La personne recrutée s'intégrera dans le laboratoire de Chimie Biologie des Membranes et Nano-objets (CBMN, UMR 5248) dans l'équipe dont fait partie Jean-Christophe Taveau, Professeur en Bioinformatique avec une ouverture vers les équipes de CBMN produisant de larges quantités de données (big data) nécessitant une analyse poussée à base de méthodes par apprentissage (machine learning) communément regroupées sous l'appellation Intelligence Artificielle.

La personne recrutée sera rattachée à l'équipe de Dr. Olivier Lambert (Architecture de complexes membranaires et processus cellulaires) dont une des thématiques concerne les études structure-fonction de transporteurs membranaires par bio-informatique structurale. Cette thématique s'intéresse plus particulièrement à l'analyse des mécanismes de résistance aux antibiotiques par les pompes à efflux chez les bactéries pathogènes impliquées dans les maladies nosocomiales.

La principale activité du candidat sera de mettre à profit ses compétences en bio-informatique (machine learning – clustering, classification, deep learning, etc.) utilisées pour la détermination quasi-atomique des structures 3D de protéines.

Ses compétences pourront être plus largement déployées au sein de CBMN en collaboration avec d'autres équipes de CBMN.

Pour ce profil de recherche, la personne recrutée devra avoir une forte expertise en bio-informatique dans un contexte d'analyse de systèmes biologiques. A moyen terme, il s'agit aussi pour CBMN d'implanter l'infrastructure et les outils nécessaires pour intégrer dans ses équipes la révolution numérique en biologie.

Mots clés:

Bio-informatique, Structure et fonction des protéines.

Justificatif du profil demandé

Former les étudiants aux outils et méthodes des technologies intelligentes pour répondre aux besoins en recrutement de l'usine 4.0

Job Profile (2 lignes en Anglais maximum)

Train students in the tools and methods of intelligent technologies to meet the recruitment needs of industry 4.0					
Research fields EURAX	ESS				